|  |
| --- |
| Nom EES  : Université Ibn Khaldoun de Tiaret  Département : Biologie |

|  |
| --- |
| **SYLLABUS DE LA MATIERE**  **(à publier dans le site Web de l’institution)** |
| Protéomique |

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| ENSEIGNANT DU COURS MAGISTRAL | | **Prof. Khaled TAIBI** | | | |
| Réception des étudiants par semaine | | | |
| Email | khaledtaibi@hotmail.com ; k\_taibi@univ-tiaret.dz | Jour : | Lundi | heure | 8h00 |
| Tél de bureau |  | Jour : |  | heure |  |
| Tél secrétariat |  | Jour : |  | heure |  |
| Autre |  | Bâtiment : | Labo B | Bureau : |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| TRAVAUX DIRIGES  (Réception des étudiants par semaine) | | | | | | | |
| NOMS ET PRENOMS DES ENSEIGNANTS | Bureau/salle réception | Séance 1 | | Séance 2 | | Séance 3 | |
| jour | heure | jour | Heure | jour | heure |
|  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| TRAVAUX PRATIQUES  (Réception des étudiants par semaine) | | | | | | | |
| NOMS ET PRENOMS DES ENSEIGNANTS | Bureau/salle réception | Séance 1 | | Séance 2 | | Séance 3 | |
| jour | heure | jour | heure | jour | heure |
| Prof. Khaled TAÏBI | Laboratoire de biotechnologies, Pavillon A | Lundi | 11h00 |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  |  |  |  |  |  |  |

|  |  |
| --- | --- |
| **DESCRIPTIF DU COURS** | |
| Objectif | L’objectif de cet enseignement est de préparer les étudiants aux différentes technologies protéomiques et métabolomiques qui permettent l’étude des produits de l'expression des génomes dans les cellules. |
| Type Unité Enseignement | UE fondamentale |
| Contenu succinct | Protéomique.  Structure, nature, types et modifications post-translationnelles des protéines.  Techniques de séparation, analyse et identification des protéines.  Classification des structures protéiques & relation 'structure-fonction'.  Métabolomique.  Evolution et phylogénie des voies métaboliques.  Interaction protéine-ADN & régulation des gènes. |
| Crédits de la matière | 6 |
| Coefficient de la matière | 3 |
| Pondération Participation |  |
| Pondération Assiduité |  |
| Calcul Moyenne C.C |  |
| Compétences visées | Compréhension et maitrise des différentes techniques de séparation et d’identification des protéines. |

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **EVALUATION DES CONTROLES CONTINUS DE CONNAISSANCES** | | | | | | | |
| **PREMIER CONTROLE DE CONNAISSANCES** | | | | | | | |
| Jour | Séance | Durée | Type (1) | Doc autorisé (Oui, Non) | Barème | Echange après évaluation  (date Consult. copie) | Critères évaluation (2) |
|  |  |  |  |  |  |  |
| **DEUXIEME CONTROLE DE CONNAISSANCES** | | | | | | | |
| Jour | Séance | Durée | Type (1) | Doc autorisé (Oui, Non) | Barème | Echange après évaluation  (date consultation copies) | Critères évaluation (2) |
|  |  |  |  |  |  |  |

* Type : E=écrit, EI=exposé individuel, EC=exposé en classe, EX=expérimentation, QCM
* Critères évaluation :A=Analyse, S=synthèse,AR=argumentation, D=démarche, R=résultats

|  |  |
| --- | --- |
| **EQUIPEMENTS ET MATERIELS UTILISES** | |
| Adresses Plateformes | Moodle |
| Noms Applications (Web, réseau local) | Web |
| Polycopiés |  |
| Matériels de laboratoires |  |
| Matériels de protection |  |
| Matériels de sorties sur le terrain |  |

|  |  |
| --- | --- |
| **LES ATTENTES** | |
| Attendues des étudiants (Participation-implication) | Compréhension des principales techniques de séparation des protéines.  Maitrise des principales techniques d'identification des protéines. |
| Attentes de l’enseignant | Maitrise des techniques protéomiques. |

|  |  |
| --- | --- |
| **BIBLIOGRAPHIE** | |
| Livres et ressources numériques | Reiner Westermeier, Tom Naven 2002. Proteomics in practice : A laboratory manual of proteome analysis. Wiley-VHC Verlag GmbH, 329 p.  David S Latchman, 2005. Gene Regulation, A eukaryotic perspective. Fifth Edition. Taylor & Francis Group. 404 pages.  Christoph W. Sensen, 2006. Handbook of Genome Research. Ed. Christoph W. Sensen. 634 pages.  Desmond S. T. Nicholl, 2008. An Introduction to Genetic Engineering. Ed. Cambridge University Press. 350 pages.  Arthur M. Lesk 2012. Introduction to genomics, Second edition, Oxford University Press, 420 p.  Michael Kaufmann and Claudia Klinger 2012. Functional Genomics: Methods and Protocols, Second Edition. Humana Press. 435 p |
| Articles |  |
| Polycopiés |  |
| Sites Web |  |

**Cachet humide du département**

